文章编号:1000-0615(2018)08-1181-08

DOI: 10.11964/jfc.20170810926

# 河南华溪蟹生殖调控分子VASA的原核表达、 抗体制备及免疫鉴定

杜晓琳, 王 兰\*, 孙 敏\*

(山西大学生命科学学院,山西太原 030006)

摘要:为了研究生殖调控分子VASA在河南华溪蟹性腺发育过程中的表达模式和功能,本研究制备了VASA蛋白特异的多克隆抗体。选取河南华溪蟹vasa基因813 bp的特异区段,克隆到pET32a载体,构建了原核表达载体pET32a-Shvasa,转化至大肠杆菌BL21,经IPTG诱导表达和SDS-PAGE检测。结果显示,47 ku的VASA融合蛋白在菌液上清液中大量存在。VASA融合蛋白经Ni-NTA His-Bind亲和层析柱分离纯化后,免疫新西兰大白兔,制备了河南华溪蟹VASA蛋白的多克隆抗体。ELISA检测显示,VASA蛋白多克隆抗体的效价高达 1.0×10<sup>5</sup>。进一步通过免疫吸附实验和Western blot方法鉴定抗体特异性,研究表明,获得的多克隆抗体不仅能识别VASA融合蛋白,而且能特异识别河南华溪蟹卵巢中的天然VASA蛋白。研究为鉴定河南华溪蟹及其他蟹类生殖细胞提供了有效手段,为进一步解析十足目动物VASA蛋白的功能提供了分子基础。 关键词:河南华溪蟹;VASA蛋白;原核表达;抗体制备;免疫鉴定

中图分类号:Q785; S917.4

文献标志码:A

vasa基因首次报道于果蝇(Drosophila)中,在 生殖调控中发挥重要功能<sup>[1-7]</sup>。vasa基因编码的蛋 白包含高度保守的DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp)序 列,是DEAD-box蛋白家族成员<sup>[1.8]</sup>。VASA蛋白 具有依赖ATP的RNA解旋酶活性,几乎参与了 RNA代谢的全部过程,是生殖细胞形成所必须 的母源因子<sup>[2-5]</sup>。vasa作为原生殖细胞(primordial germ cells, PGCs)的标记分子,被广泛用于研究 PGCs的迁移、分化及生殖细胞的发生<sup>[3-7]</sup>。果蝇<sup>[3]</sup>、 斑马鱼(Danio rerio)<sup>[7]</sup>、小鼠(Mus musculus)<sup>[9]</sup>、人 (Homo sapiens)<sup>[10]</sup>等生物中,vasa基因的功能研究 已较为成熟。文献报道显示,果蝇vasa基因突变 引起卵子发生过程受阻,造成雌性果蝇不育<sup>[11]</sup>; 雄鼠vasa基因功能丧失,导致雄性生殖细胞的增 殖和分化被抑制,甚至引起不育<sup>[12]</sup>。

甲壳动物中,陆续克隆了vasa基因的cDNA 全长序列。研究表明,vasa RNA在中华绒螯蟹

(Eriocheir sinensis)<sup>[13]</sup>、拟穴青蟹(Scylla paramamosain)<sup>[14]</sup>、中国明对虾(Fenneropenaeus chinensis)<sup>[15]</sup>、 大型溞(Daphnia magna)<sup>[16]</sup>的性腺组织中特异性表 达。Nakkrasae等<sup>[17]</sup>、Aflalo等<sup>[18]</sup>、Zhou等<sup>[15]</sup>及 Wang等<sup>[14]</sup>采用原位杂交方法,分别在罗氏沼虾 (Macrobrachium rosenbergii)、凡纳滨对虾(Litopenaeus vannamei)、中国明对虾和拟穴青蟹中检测 到vasa RNA在早期卵母细胞细胞质中分布,随着 卵母细胞的发育,逐渐聚集到细胞核;精巢 中, vasa RNA仅分布在精原细胞和精母细胞的细 胞质中。有关VASA蛋白的研究,目前仅在日本 沼虾(M. nipponensis)中有报道。崔峥等[19]制备了 VASA蛋白多克隆抗体,对其蛋白进行了研究, 结果表明,日本沼虾VASA蛋白在性腺中特异性 表达,并且主要分布在卵母细胞核的周围及精 原细胞的细胞质中<sup>[19]</sup>。但是,至今为止,蟹类中

<sup>收稿日期: 2017-08-14 修回日期: 2018-03-21
资助项目:高等学校博士学科点专项科研基金(20131401120009)
通信作者:王兰, E-mail: lanwang@sxu.edu.cn; 孙敏, E-mail: sunm1112@163.com</sup> 

VASA蛋白的表达模式及其在生殖细胞中的功能仍不清楚。本研究在前期克隆的部分河南华溪 蟹(Sinopotamon henanense) vasa基因(Shvasa)序列 的基础上<sup>[20]</sup>,通过构建pET32a-Shvasa表达载体, 成功表达了VASA融合蛋白,并制备了河南华溪 蟹VASA蛋白(ShVASA)特异的多克隆抗体。进一 步对制备的抗体进行了免疫鉴定,证实获得的 多克隆抗体能够特异识别ShVASA蛋白,为蟹类 VASA蛋白生物学功能的研究和生殖细胞的鉴定 提供了有效手段,为探讨华溪蟹卵子发生的分 子调控机理提供了重要基础。

1 材料与方法

### 1.1 实验材料

河南华溪蟹购自太原五龙口水产批发市 场,置实验室水族缸(50 cm×30 cm×25 cm)中暂养 (曝气水, pH=7.4, 溶氧量8.0~8.3 mg/L, 水深3~ 4 cm, 水温20~22 °C), 每周换水3次, 喂食3次, 选取体质量相近(18.22±0.96)g,且性腺发育早期 的河南华溪蟹取材、检测。pET32a表达载体、 大肠杆菌(Escherichia coli) DH5α和BL21 (DE3)菌 株购自北京全式金生物技术有限公司。pMD-19T (simple)、T<sub>4</sub> DNA连接酶购自TaKaRa公司。质粒 抽提试剂盒购自OMEGA公司; 2×Easy-Taq DNA聚合酶购自康为世纪生物科技有限公司; 限制性内切酶EcoR I和Xho I购自NEB公司; Bradford蛋白定量试剂盒、SDS-PAGE组分[Tris-HCl(pH 8.8、6.8)、30%丙烯酰胺]、组织蛋白抽 提液、超敏底物ECL化学发光液购自北京索莱宝 科技有限公司; Ni-NTA His-Bind Resin购自 Novagen公司; PVDF膜(0.22 μm)购自Sigma公 司; HRP标记山羊抗兔IgG购自生工生物工程(上 海)股份有限公司。

#### 1.2 vasa表达序列的扩增

以本实验室河南华溪蟹vasa基因的部分序列 为模板,利用Primer 5.0软件设计特异性引物 (表1),扩增vasa基因序列。其中,引物的5′端分 別加入*EcoR* I和*Xho* I酶切位点(下划线标出), PCR反应条件:94 °C预变性5 min;94 °C 30 s、 59 °C 30 s、72 °C 50 s,共35个循环;72 °C终延 伸10 min,琼脂糖凝胶电泳检测。

表 1 表达序列PCR扩	增引	牧
--------------	----	---

### Tab. 1 PCR amplification primer of

the expression sequence

	引物	引物序列(5'-3')
	primer	sequence(5'-3')
上游引物	VexpF	5'CG <u>GAATTC</u> ATGGATGAGGA CTGGGAAGC3'
下游引物	VexpR	5'CG <u>CTCGAG</u> GGCTTTCATCACAT TTTCAAGC3'

注: EcoR I和Xho I限制性内切酶酶切位点用下划线标出 Notes: EcoR I and Xho I restriction endonuclease sites are marked by underline

#### 1.3 原核表达载体的构建

回收PCR产物(TaKaRa),与pMD-19T(simple) 连接[T<sub>4</sub>DNA连接酶(TaKaRa)],4°C过夜,转 化,送生工生物工程(上海)股份公司测序验证。 提取pMD-19T-vasa和pET-32a载体,分别用*EcoR* I和*Xho*I双酶切(37°C,2h),琼脂糖凝胶电泳检 测。酶切产物经纯化后,将vasa基因与pET32a连 接,连接产物转化大肠杆菌DH5α,挑选阳性克 隆,再次测序验证(n=5),成功构建了河南华溪 蟹vasa原核表达载体pET32a-Shvasa。

#### 1.4 大肠杆菌的诱导表达

重组载体(pET32a-Shvasa)转化至BL21感受 态细胞中,涂布于LB平板培养基(氨苄浓度为 1 mg/mL),挑取单菌落,接种于LB液体培养基 (氨苄浓度为1 mg/mL),37 °C振荡培养过夜,次 日按1:50的比例扩大培养,至菌液OD<sub>600</sub>介于 0.67~0.7;1 mmol/mL IPTG诱导表达(37 °C,4 h)。 10 000 r/min,4 °C离心10 min,弃上清液,1×PBS 缓冲溶液重悬菌体,在冰浴条件下超声破碎(超 声时间2 s,间歇时间3 s,总时间2 h),10 000 r/min 离心10 min,取20 μL离心后的上清液和1×PBS缓 冲溶液重悬后的沉淀进行SDS-PAGE分析(5%浓 缩胶,12%分离胶),考马斯亮蓝R250染色1 h, 过夜脱色,拍照。实验重复3次。

# **1.5** 融合蛋白的纯化、多克隆抗体的制备及 效价测定

Ni-NTA His-Bind亲和层析柱纯化河南华溪 蟹VASA融合蛋白,选用50、100、150 mmol/mL 咪唑浓度洗脱,收集蛋白,SDS-PAGE检测。纯 化后的融合蛋白[200 μg/(次·只)的剂量]加入完全 弗氏佐剂乳化,对成年健康新西兰大白兔背部 进行多点皮下注射。2~3次加强免疫后取血清。 包被液稀释抗原(VASA融合蛋白终浓度为2 μg/mL, 100 μL/孔),多克隆抗血清(从200倍开始2倍梯度 稀释)进行ELISA反应。酶标仪读取450 nm和630 nm 的吸光值,分析抗体效价。

#### 1.6 免疫吸附实验

将抗血清与纯化的融合蛋白混合于TBST中 (0.1%奶粉溶液配制),4°C条件下摇床孵育16h, 13 053 r/min离心20 min,取上清液,Western blot检测,重复3次以上。对抗原抗体的浓度比例 进行多次摸索,在初步确定1:2、1:5、1: 10浓度的基础上,再经检测和验证,确定抗原抗 体比例为1:10为最佳吸附条件,用于后续实验。

### 1.7 Western blot检测抗体特异性

组织蛋白抽提液(索莱宝)抽提卵巢、鳃总蛋 白。50 mg组织中加入1 mL组织蛋白抽提液,冰 上充分匀浆后,12 000 r/min 4 °C离心10 min,取 上清液。提取的总蛋白加4×Loading buffer于金属 浴煮沸10 min使蛋白变性。取20 μL的总蛋白经 12% SDS-PAGE电泳,电转移系统转至PVDF膜, 5%牛奶10 mL TBST中封闭2 h。一抗孵育,4 °C 过夜[1:1000稀释的阳性血清、免疫前的血清(分 別来自2只兔子)、免疫吸附后的血清],TBST 缓冲液洗涤3次,每次10 min。二抗孵育(1:1000 稀释的HRP标记的山羊抗兔IgG),TBST缓冲液洗 涤3次,每次10 min,显影(超敏底物ECL化学发 光液)、观察、拍照。实验重复3次以上。

#### 2 结果

# 2.1 表达序列的PCR扩增及原核表达载体的 构建

分别以河南华溪蟹卵巢和精巢cDNA为模板 进行PCR扩增,获得了与预期大小一致的特异性 条带(图1),经测序分析,均为813 bp的vasa序 列。产物连接至pMD19T (simple),得到重组载体 pMD19T-Shvasa,将该重组载体与表达载体 pET32a分别用限制性内切酶EcoRI和XhoI进行双 酶切。酶切产物经电泳检测,pMD19T-Shvasa双 酶切后,得到的800 bp左右的电泳条带即为vasa 的基因序列;pET32a空载体经双酶切后,得到 5 900 bp左右的条带即为酶切后的目的条带(图2)。 酶切产物连接、测序,结果证实已成功构建了 河南华溪蟹vasa原核表达载体pET32a-Shvasa。



#### 图 1 Shvasa基因序列的PCR扩增产物

M. DNA Marker; 1. 卵巢 cDNA为模板 的扩增产物; 2. 精巢 cDNA为模板的扩增产物; 箭头指示为*Shvasa*基因序列

### Fig. 1 PCR amplification product of Shvasa gene sequence

M. DNA Marker; 1. PCR amplification product using cDNA of ovary as the templet; 2. PCR amplification product using cDNA of testes as the templet; arrow indicates the *Shvasa* gene sequence



#### 图 2 载体双酶切电泳图

M. DNA Marker; 1~2. pMD19T-Shvasa重组载体的双酶切产物; 3~4. pET32a空载体的双酶切产物; 箭头指示为Shvasa的基因序列

# Fig. 2 Electrophoregram of vectors digested by restriction endonuclease

M. DNA Marker; 1-2. the products of pMD19T-*Shvasa* digested by *Eco*R I and *Xho* I; 3-4. pET32a digested by *Eco*R I and *Xho* I; arrow indicates the gene sequence of *Shvasa* 

#### 2.2 VASA融合蛋白的表达与纯化

通过摸索不同的诱导条件,成功诱导了VASA 融合蛋白的表达。SDS-PAGE检测结果显示,重 组质粒工程菌经1 mmol/L IPTG诱导后,在上清 液和沉淀中分别检测到与预期大小一致的47 ku 的目的条带,即VASA融合蛋白(图3,图4)。同 时在重组质粒工程菌的上清液中,VASA融合蛋



#### 图 3 SDS-PAGE检测上清液中VASA融合蛋白的表达

M. 蛋白Marker; 1. pET32a-Shvasa诱导后; 2. pET32a-Shvasa未诱导; 3. pET32a空载体诱导后; 4. pET32a空载体未诱导; 箭头指示为诱导表达的VASA融合蛋白

# Fig. 3 The detection of recombinant VASA protein in supernatant by SDS-PAGE

M. protein Marker; 1. pET32a-*Shvasa* induced; 2. pET32a-*Shvasa* uninduced; 3. pET32a induced; 4. pET32a uninduced; arrow indicates the recombinant VASA protein



#### 图 4 SDS-PAGE检测沉淀中VASA融合蛋白的表达

M. 蛋白Marker; 1. pET32a-Shvasa诱导后; 2. pET32a-Shvasa未诱导; 3. pET32a空载体诱导后; 4. pET32a空载体未诱导; 箭头指示为诱导表达的VASA融合蛋白

# Fig. 4 The detection of recombinant VASA protein in precipitation by SDS-PAGE

M. protein Marker; 1. pET32a-*Shvasa* induced; 2. pET32a-*Shvasa* uninduced; 3. pET32a induced; 4. pET32a uninduced; arrow indicates the recombinant VASA protein

白大量表达(图3)。在对照实验中,未诱导的重 组质粒工程菌及诱导前、后的转有空质粒的工 程菌中,上清液和沉淀均未检测到相应大小的VASA 融合蛋白条带(图3,图4)。因此可确定获得了可 溶状态的VASA融合蛋白。进一步利用亲和纯化 的方法,通过梯度咪唑浓度洗脱,对VASA融合 蛋白进行了分离、纯化。结果显示,50 mmol/L 咪唑浓度的洗脱液洗脱时,开始检测到目的蛋 白(图5);随着咪唑浓度的增加,100和150 mmol/mL 咪唑浓度的洗脱液洗脱时,目的蛋白的含量显 著升高,150 mmol/mL咪唑浓度洗脱时,检测到 大量的目的蛋白。150 mmol/mL咪唑浓度洗脱 时,获得了高浓度和高纯度的目的蛋白。电泳 条带的灰度分析显示,150 mmol/mL咪唑浓度洗 脱液洗脱收集的蛋白纯度在90%以上,达到了后 续免疫实验的要求(图5)。



#### 图 5 SDS-PAGE检测VASA融合蛋白的亲和纯化

1. 未纯化的VASA融合蛋白; 2. 50 mmol/L咪唑浓度洗脱后的 VASA融合蛋白; 3. 100 mmol/L咪唑浓度洗脱后的VASA融合蛋 白; 4. 150 mmol/L咪唑浓度洗脱后的VASA融合蛋白; 箭头指示 为VASA融合蛋白

# Fig. 5 The detection of purified recombinant VASA protein by SDS-PAGE

1. unpurified recombinant VASA protein; 2. recombinant VASA protein eluted by 50 mmol/L imiuzole; 3. recombinant VASA protein eluted by 100 mmol/L imiuzole; 4. recombinant VASA protein eluted by 150 mmol/L imiuzole; arrow indicates the recombinant VASA protein

#### 2.3 VASA蛋白多克隆抗体的制备与免疫鉴定

纯化后的VASA融合蛋白免疫新西兰大白 兔,收集血清,制备了河南华溪蟹VASA蛋白的 多克隆抗血清。通过ELISA方法测定所得抗体的 免疫效价,结果显示抗体的效价高于1.0×10<sup>5</sup>,符 合后续实验要求。在此基础上,为鉴定所得抗 血清的特异性,利用免疫吸附实验,并结合Western blot方法对抗体的特异性进行了检测。同时参照 文献报道, vasa作为生殖标记分子, 特异表达于 性腺组织中[13-15],因此选取卵巢进行抗体特异性 检测,同时以鳃作为阴性对照分析抗体的特异 性。结果显示,阳性抗血清作为一抗检测时在 卵巢中检测到75 ku的特异条带,而在鳃中没有 检测到相应的目的条带;此外,用不同兔子的 免疫前血清(阴性对照血清)检测时,均未检测到 相应的目的条带;特别是利用VASA融合蛋白吸 附阳性抗血清后进行检测,同样未检测到相应 的目的条带,表明本研究获得的河南华溪蟹VASA 蛋白的多克隆抗体可特异性识别卵巢中75 ku的 天然VASA蛋白(图6)。

杜晓琳,等:河南华溪蟹生殖调控分子VASA的原核表达、抗体制备及免疫鉴定



### 图 6 Western blot检测ShVASA蛋白多克隆抗体 的特异性



# Fig. 6 Identification of the specificity of anti-VASA polyclonal antibody by Western blot

1. specificity detection of VASA protein in gills by anti-VASA serum; 2-5. specificity detection of VASA protein in ovary by anti-VASA serum(2), preimmune rabbit serum (3-4), and pre-adsorbed anti-VASA serum (5), respectively

## 3 讨论

构建合适的原核表达体系,需要综合考虑 诸多因素,选择适当的宿主菌株、确定适宜的 表达载体和诱导条件尤为重要。首先,由于 Shvasa表达序列中不含有大肠杆菌稀有密码子, 且不影响其在大肠杆菌中的正常表达[21],因此, 本研究选用BL21(DE3)蛋白酶缺陷型大肠杆菌作 为宿主菌进行诱导表达。其次,在表达载体的 选择上, pET系统是在大肠杆菌中表达融合蛋白 最强大的系统之一,本实验选择了原核表达载 体pET-32a,该载体含有6×His标记,重组蛋白可 利用His标签进行亲和层析纯化蛋白。与GST标 签蛋白相比较,His标签蛋白中只带有6个组蛋 白, 使得目的蛋白的表达状态不会因为标签的 引入受到影响,更利于获得可溶状态的融合蛋 白。再者,由于IPTG可以通过激活T7 RNA聚合 酶基因的启动子,促使T7 RNA聚合酶的表达, 进而使载体上T7启动子下游插入的外源基因高 效表达,因此,可以通过加入IPTG来调控外源 蛋白的表达<sup>[21]</sup>。考虑到高浓度的IPTG可能对大 肠杆菌生长造成影响,本研究通过摸索IPTG 的浓度与诱导时间对蛋白表达量的影响,确定 了最佳诱导条件: 菌体生长至OD<sub>600</sub>为0.67~0.70 时,加入1 mmol/L IPTG, 37 °C诱导4 h,可获得 大量可溶性VASA融合蛋白,利于后续蛋白的分 离与纯化。

不同物种中用于VASA蛋白原核表达的核苷 酸序列长度与位置存在差异。在ShVASA蛋白多 克隆抗体的制备过程中,选定Shvasa基因N端的 813 bp特异区段作为表达序列,通过优化诱导条 件,成功将VASA融合蛋白诱导表达于上清液中 (图3,图4)。与本研究相似,在银鲫(Carassius auratus gibelio)中,选取vasa基因的930 bp特异区 段作为表达序列<sup>[6]</sup>,诱导表达银鲫VASA融合蛋 白于上清液中<sup>[6]</sup>。与之不同的是,崔峥等<sup>[19]</sup>在日 本沼虾中选取了vasa的完整开放阅读框(1800 bp)作为表达序列,通过优化IPTG浓度,诱导表 达日本沼虾VASA融合蛋白于包涵体中<sup>[19]</sup>。尽管 不同物种中选取的序列不同,但均获得了 VASA融合蛋白,不同的是融合蛋白的存在形式 不同,这可能与表达序列的长度和选取的位置 有密切关系<sup>[6, 19, 22]</sup>。银鲫<sup>[6]</sup>与河南华溪蟹中用于 表达的序列均为vasa基因的特异区段而非全长序 列,因此VASA融合蛋白的分子量较小,使其可 溶性增强,易于在上清液中存在。而在日本沼 虾的VASA与中华绒螯蟹的DMRT-like中,用于 表达的序列是整个编码序列,因此融合蛋白分 子量较大,导致融合蛋白主要以包涵体的形式 存在<sup>[19, 22]</sup>。

利用原核表达的蛋白作为抗原制备的多克 隆抗体,其特异性检测尤为重要。大多数抗体 特异性检测实验仅采用免疫前血清作为阴性对 照<sup>[23-24]</sup>,通过阳性抗血清和免疫前的阴性血清分 别检测融合蛋白和组织中的天然蛋白,确定所 得抗体的特异性<sup>[24]</sup>。但是为了进一步确保抗体的 特异性,一些研究中引入了免疫吸附实验<sup>[24]</sup>,利 用原核表达的蛋白与阳性血清进行孵育,将阳 性血清中特异识别该抗原的免疫球蛋白进行吸 附,进而达到去除的目的,用此吸附后的血清 作为阴性对照,使特异性检测的证明更具有说 服力。鉴于此,为确定ShVASA抗体的特异性, 本研究通过免疫吸附实验,证实了此次获得的 ShVASA抗体能够特异性识别VASA融合蛋白和 天然VASA蛋白,具有特异性强、灵敏度高的特性。

作为生殖细胞的标记分子,在诸多物种中 vasa被用来追踪早期生殖细胞的形成、分化和 迁移;作为关键的母源因子,在卵子发生和 早期胚胎发育过程中vasa均发挥重要的调控作 用<sup>[2-12, 25-26]</sup>。因此,在生殖和发育生物学中,vasa 成为研究动物体生殖调控机制的重要切入点。 已有研究表明,甲壳动物vasa基因在生殖细胞中 特异性表达,并且随着生殖细胞的生长、发育 呈动态分布<sup>[13-20]</sup>。与之相似,本研究在ShVASA 蛋白多克隆抗体的鉴定中表明,ShVASA蛋白在

8期

卵巢组织中特异性表达(图6),此外在后续研究中,通过ShVASA蛋白的组织特异性检测,已证明了ShVASA蛋白特异性表达于性腺组织中,预示着ShVASA蛋白在生殖细胞的发育、成熟过程中发挥着重要的调控作用。

### 4 结论

本研究首次获得了河南华溪蟹VASA蛋白特 异的多克隆抗体,为河南华溪蟹及其他蟹类 VASA蛋白生物学功能的研究和生殖细胞的鉴定 提供了有效手段,为探讨河南华溪蟹卵子发生 的调控机制提供了分子基础。

#### 参考文献:

- [1] Dehghani M, Lasko P. C-terminal residues specific to Vasa among DEAD-box helicases are required for its functions in piRNA biogenesis and embryonic patterning[J]. Development Genes and Evolution, 2016, 226(6): 401-412.
- [2] Hay B, Jan L Y, Jan Y N. A protein component of *Drosophila* polar granules is encoded by *vasa* and has extensive sequence similarity to ATP-dependent helicases[J]. Cell, 1988, 55(4): 577-587.
- [3] Lasko P F, Ashburner M. The product of the *Drosophila* gene *vasa* is very similar to eukaryotic initiation factor-4A[J]. Nature, 1988, 335(6191): 611-617.
- [4] Liang L, Diehl-Jones W, Lasko P. Localization of vasa protein to the *Drosophila* pole plasm is independent of its RNA-binding and helicase activities[J]. Development, 1994, 120(5): 1201-1211.
- [5] Yoon C, Kawakami K, Hopkins N. Zebrafish vasa homologue RNA is localized to the cleavage planes of 2and 4-cell-stage embryos and is expressed in the primordial germ cells[J]. Development, 1997, 124(16): 3157-3165.
- [6] Xu H Y, Peng J X, Gui J F, et al. Gibel carp germ cell marker Vasa: cDNA cloning and its antibody preparation[J]. Acta Zoologica Sinica, 2005, 51(4): 732-742.
- [7] Hartung O, Forbes M M, Marlow F L. Zebrafish vasa is required for germ-cell differentiation and maintenance[J]. Molecular Reproduction and Development, 2014, 81(10): 946-961.
- [8] Dehghani M, Lasko P. In vivo mapping of the functional

regions of the DEAD-box helicase Vasa[J]. Biology Open, 2015, 4(4): 450-462.

- [9] Reunov A A, Reunova Y A. In mouse oocytes the mitochondrion-originated germinal body-like structures accumulate mouse Vasa homologue (MVH) protein[J]. Zygote, 2015, 23(4): 501-506.
- [10] Castrillon D H, Quade B J, Wang T Y, et al. The human VASA gene is specifically expressed in the germ cell lineage[J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 2000, 97(17): 9585-9590.
- [11] Hay B, Jan L Y, Jan Y N. Localization of *vasa*, a component of *Drosophila* polar granules, in maternal-effect mutants that alter embryonic anteroposterior polarity[J]. Development, 1990, 109(2): 425-433.
- [12] Tanaka S S, Toyooka Y, Akasu R, et al. The mouse homolog of *Drosophila Vasa* is required for the development of male germ cells[J]. Genes & Development, 2000, 14(7): 841-853.
- [13] Wang Q, Fang D A, Sun J L, et al. Characterization of the vasa gene in the Chinese mitten crab Eriocheir sinensis: a germ line molecular marker[J]. Journal of Insect Physiology, 2012, 58(7): 960-965.
- [14] Wang Y L, Chen Y D, Han K H, et al. A vasa gene from green mud crab Scylla paramamosain and its expression during gonadal development and gametogenesis[J]. Molecular Biology Reports, 2012, 39(4): 4327-4335.
- [15] Zhou Q R, Shao M Y, Qin Z K, et al. Cloning, characterization, and expression analysis of the DEAD-box family genes, *Fc-vasa* and *Fc-PL10a*, in Chinese shrimp (*Fenneropenaeus chinensis*)[J]. Chinese Journal of Oceanology and Limnology, 2010, 28(1): 37-45.
- [16] Sagawa K, Yamagata H, Shiga Y. Exploring embryonic germ line development in the water flea, *Daphnia magna*, by zinc-finger-containing VASA as a marker[J]. Gene Expression Patterns, 2005, 5(5): 669-678.
- [17] Nakkrasae L I, Damrongphol P. A vasa-like gene in the giant freshwater prawn, *Macrobrachium rosenbergii*[J]. Molecular Reproduction & Development, 2010, 74(7): 835-842.
- [18] Aflalo E D, Bakhrat A, Raviv S, et al. Characterization of a Vasa-like gene from the pacific white shrimp Litopenaeus vannamei and its expression during oogenesis[J]. Molecular Reproduction and Development, 2007,

1187

74(2): 172-177.

[19] 崔峥,朱小玲,邱高峰.日本沼虾VASA蛋白的原核表达、抗体制备及其免疫鉴定[J].水产学报,2010, 34(10):1495-1501.

> Cui Z, Zhu X L, Qiu G F. Prokaryotic expression, antibody preparation and immunological characterization of VASA protein in the prawn *Macrobrachium nipponense*[J]. Journal of Fisheries of China, 2010, 34(10): 1495-1501(in Chinese).

[20] 李怡婷.河南华溪蟹生殖调控基因vasa的克隆和原核 表达[D].太原:山西大学, 2016.

> Li Y T. Cloning and prokaryotic expression of *vasa* gene from the freshwater crab *Sinopotamon henanense*[D]. Taiyuan: Shanxi University, 2016 (in Chinese).

 [21] 张辉,潘鲁青,岳峰.三疣梭子蟹C-型溶菌酶基因的原 核表达与活性检测[J].中国海洋大学学报,2013, 43(7):23-27.

Zhang H, Pan L Q, Yue F. Expression of *Portunus trituberculatus* lysozyme gene in *E. coli* and evaluation of its lytic activity[J]. Periodical of Ocean University of China, 2013, 43(7): 23-27(in Chinese).

[22] 邱高峰,陈洁.中华绒螯蟹精巢特异表达蛋白DMRT-like:抗体制备及免疫鉴定[J].水产学报,2013,37(1):
 63-69.

Qiu G F, Chen J. The testis-specific protein DMRT-like

of the Chinese mitten crab: antibody preparation and immunological identification[J]. Journal of Fisheries of China, 2013, 37(1): 63-69(in Chinese).

- [23] 王立正,王子璇,朱瑞,等.多巴胺能神经营养因子真 核表达、纯化及多克隆抗体制备[J].中国免疫学杂志, 2015, 31(9): 1221-1224.
  Wang L Z, Wang Z X, Zhu R, *et al.* Expression and purification of CDNF and preparation of its polyclonal antibodies[J]. Chinese Journal of Immunology, 2015, 31(9):
- [24] Sun M, Li Z, Gui J F. Dynamic distribution of *spindlin* in nucleoli, nucleoplasm and spindle from primary oocytes to mature eggs and its critical function for oocyteto-embryo transition in *gibel carp*[J]. Ecological and Integrative Physiology, 2010, 313A(8): 461-473.

1221-1224(in Chinese).

- [25] Knaut H, Pelegri F, Bohmann K, et al. Zebrafish vasa RNA but not its protein is a component of the germ plasm and segregates asymmetrically before germline specification[J]. Journal of Cell Biology, 2000, 149(4): 875-888.
- [26] Qiu G F, Chen Y, Cui Z, et al. Localization of germline marker vasa homolog RNA to a single blastomere at early cleavage stages in the oriental river prawn Macrobrachium nipponense: evidence for germ cell specification by preformation[J]. Gene, 2013, 513(1): 53-62.

DU Xiaolin, WANG Lan<sup>\*</sup>, SUN Min<sup>\*</sup>

(School of Life Science, Shanxi University, Taiyuan 030006, China)

**Abstract**: In order to study the expression pattern and function of the reproductive regulatory molecular VASA during gonadal development of the freshwater crab, *Sinopotamon henanense*(ShVASA), we have cloned the partial sequence of *vasa* gene in the freshwater crab, *S. henanense* (*Shvasa*). Based on the sequence, in the present study, we prepared the specific anti-VASA polyclonal antibody for exploring the expression pattern and function of ShVASA protein during gonadal development. A specific segment of 813 bp of *Shvasa* gene was selected and cloned into pET32a vector to construct the prokaryotic expression vector pET32a-*Shvasa*. After the recombinant vector was transferred into *Escherichia coli*, the recombinant VASA protein was expressed under the induction of IPTG. SDS-PAGE analysis showed that the fusion protein, which was about 47 ku, mainly existed in the supernatant. Using the fusion protein purified by Ni-NTA His-Bind affinity chromatography column as antigen, we immunized the New Zealand white rabbits, and obtained the polyclonal antibody of ShVASA protein. The titer of anti-VASA polyclonal antibody reached  $1 \times 10^5$  in ELISA assay. Furthermore, we identified the specificity of the antibody gained in this study. Immuno-adsorption and Western blot analysis indicated that the produced anti-VASA polyclonal antibody could specifically bind to the fusion protein as well as the natural ShVASA protein extracted from ovary. These results will provide a powerful tool for identification of germ cells in *S. henanense* and other crabs, and for the study on the function of VASA protein in decapoda.

Key words: *Sinopotamon henanense*; VASA protein; prokaryotic expression; antibody preparation; immunological identification

**Corresponding author**: WANG Lan. E-mail: lanwang@sxu.edu.cn; SUN Min. E-mail: sunm1112@163.com **Funding projects**: Doctor Subject Foundation of the Ministry of Education of China (20131401120009)

http://www.scxuebao.cn