DOI:10.3724/SP. J. 1231.2011.17266

## 克氏原螯虾卵巢不同发育期大颚器法尼酸甲基转移酶活力分析

许进进<sup>1</sup>, 万 全<sup>1\*</sup>, 田 铃<sup>2</sup>, 吴旭干<sup>3</sup>, 成永旭<sup>3</sup>, 丁凤琴<sup>4</sup>, 李 胜<sup>2</sup>, 陆剑锋<sup>5\*</sup> (1.安徽农业大学动物科技学院,安徽 合肥 230036; 2.中国科学院上海生命科学研究院植物生理生态研究所,上海 200032; 3.上海海洋大学省部共建水产种质资源发掘与利用教育部重点实验室,上海 201306; 4.安徽省农业科学院水产研究所,安徽 合肥 230031; 5.合肥工业大学生物与食品工程学院,安徽 合肥 230009)

摘要:法尼酸甲基转移酶(farnesoic acid O-methyl transferase, FA-O-MeT)具有催化法尼酸(farnesoic acid, FA)转变成甲基法尼酯(methyl farnesoate, MF)的功能。运用放射化学法对克氏原螯虾不同发育期大颚器(mandibular organ, MO)FA-O-MeT 的酶活进行了分析,并探讨了眼柄因子对FA-O-MeT 酶活的调控。结果表明,克氏原螯虾 MO 中的 FA-O-MeT 酶活左、右侧对称,差异不显著(P>0.05);FA-O-MeT 酶活随卵巢发育呈周期性变化,次级卵黄发生期的 MO 酶活最高,达到 61.75 pmol/(p · h);镊烫法破坏眼柄内的 X 器官窦腺复合体后,FA-O-MeT 酶活逐渐上升,第5天酶活达到最高;利用眼柄内的窦腺提取物体外培养处理 MO,检测到其对 FA-O-MeT 酶活具有强烈的抑制作用(P<0.01)。研究表明,克氏原螯虾 FA-O-MeT 酶活与卵巢发育 密切相关,且其生理活性受到眼柄 X 器官窦腺复合体的负调控。

**关键词:**克氏原螯虾;甲基法尼酯;法尼酸甲基转移酶;窦腺提取物;发育阶段 中图分类号:Q 55; S 917 **文献标识码:**A

甲壳动物大颚器(mandibular organ, MO)自 1968年由LE ROUX<sup>[1]</sup>首次提出之后,直至1987年 才被证实具有合成和分泌甲基法尼酯(methyl farnesoate, MF)的功能<sup>[2]</sup>。MO成对分布于大颚与 几丁质肌腱相连处外侧,外观多为长条形或椭圆形, 其分泌的 MF 是一种类似昆虫保幼激素III(juvenile hormone, JHIII)的倍半萜, 它被普遍认为是 JHIII的前 体结构<sup>[3]</sup>。大量的研究表明, MF 在甲壳动物的生长 发育及繁殖过程中, 如生殖、蜕皮、渗透压调节、蛋白 代谢等方面, 起到了十分重要的作用<sup>[4-6]</sup>。

MF 生物合成遵循甲羟戊酸途径:乙酰辅酶 A (acetyl-CoA)经过硫解酶(thiolase)和羟甲基戊二 酰辅酶 A (HMG-CoA)的作用生成甲羟戊酸 (mevalonic acid, MA),再经过一系列的反应生成 法尼酸(farmesoic acid, FA),最终在法尼酸转甲基

酶(farnesoic acid O-methyl transferase, FA-O-MeT) 的作用下,将 FA 转甲基形成法尼酯(MF)<sup>[7]</sup>。研 究表明, FA-O-MeT 是昆虫 JH 合成过程中一个重 要的限速酶<sup>[8]</sup>, 它在甲壳动物 MF 合成途径中同样 起到了非常关键的作用<sup>[9]</sup>。甲基转移酶通常以 S - 腺 苷 - 甲 硫 氨 酸 (S-adenosyl-L-methionine, SAM)作为甲基供体催化 FA 向 MF 的转化。目 前,关于 FA-O-MeT 在甲壳动物体内的分布说法不 一,但通常认为其主要分布在 MO 中<sup>[10]</sup>。

甲壳动物眼柄内的 X 器官窦腺(X-organ sinus gland, XO-SG)复合体是神经内分泌的主要调控中心,类似于高等脊椎动物脑垂体的神经内分泌腺体,主要合成与分泌高血糖激素家族(crustacean hyperglycemic hormone family, CHH 家族),包括高血糖激素(crustacean hyperglycemic hormone,

收稿日期:2010-12-10 修回日期:2011-01-21

**资助项目:**国家自然科学基金项目(30901110);安徽省科技厅 2008 年重大科技专项(08010302071);上海市科委项目 (08dz1206002);安徽省现代农业产业技术体系专项经费资助(20103040)

通讯作者:陆剑锋,E-mail:lujf@sibs.ac.cn;万全,E-mail:ahwanquan@163.com

CHH)、蜕皮抑制激素(molt-inhibiting hormone, MIH)、性腺抑制激素(gonad-inhibiting hormone, GIH)和大颚器抑制激素(mandibular organinhibiting hormone, MOIH)<sup>[11]</sup>。在MO中, MF的 合成主要受到XO-SG分泌的甲壳类眼柄神经肽激 素的调控,破坏或去除眼柄可消除其对MO的抑制 作用。CHAVES<sup>[12]</sup>推测眼柄对MF合成的抑制作 用主要是通过抑制FA-O-MeT的活性来完成。

基于 FA-O-MeT 在 MF 合成途径中的重要作 用,我们在前期研究的基础上,以克氏原螯虾 (*Procambarus clarkii*)为实验材料,检测其不同卵 巢发育阶段 MO 中的 FA-O-MeT 酶活变化,并进 一步分析了眼柄镊烫法和窦腺提取物对 MO 酶活 的影响。这不仅为我国克氏原螯虾的人工诱导繁 育提供了科学依据,而且也丰富和完善了我国甲 壳动物生殖内分泌的调控理论。

### 1 材料与方法

### 1.1 实验材料

克氏原螯虾购自上海东方国际水产中心,体 长4.60~9.20 cm,体质量为5.20~42.30 g。在 水族箱(80 cm×60 cm×40 cm)中暂养数日,期 间定时投喂饲料和换水排污。采用 OLYMPUS 体视显微镜(SZ61),在预冷的龙虾生理溶液中解 剖左、右侧 MO(生理溶液的配制按 LI 等<sup>[13]</sup>,pH 为7.2)用于 FA-O-MeT 酶活测定。克氏原螯虾 卵巢发育阶段的分类依据参考文献[14],主要分 为7个不同的发育阶段,即未发育期、发育早期、 卵黄发生前期、初级卵黄发生期、次级卵黄发生 期、成熟期和产卵后期。

#### 1.2 化学试剂

法尼酸(FA)购自 Salt Lake City University; S-腺苷-甲硫氨酸(SAM)购自上海生工生物有 限公司;H<sup>3</sup>-SAM 和闪烁液(OPTI-Fluor)购自 Perkin Emer 公司;DMEM 培养基购自 Sigma 公司。

## 1.3 放射化学法检测不同发育阶段 MO 内的 FA-O-MeT 酶活

FA-O-MeT 酶活力的测定参照 CLAERHOUT 等<sup>[15]</sup>及刘影<sup>[16]</sup>等建立的方法,略作修改:解剖取 出 MO 后,立即放入含 200  $\mu$ L 预冷的 FA-O-MeT 分析缓冲液(100 mmol/L pH 7.2 磷酸缓冲液,5 mmol/L EDTA,2.5 mmol/L 2 – 巯基乙醇,0.5% 明胶)的玻璃管中,冰上匀浆,在4℃、12 000 r/ min下离心 15 min,取上清 50 µL 于指形玻璃管 中。在 28℃下避光预培养 10 min 后,加入 50 µL FA-O-MeT 底物缓冲液(含 85 µmol/L FA、0.5 µCi H<sup>3</sup>-SAM 和 0.2 nmol/L SAM 的 FA-O-MeT 分析缓冲液)。28℃水浴锅中继续培养 1 h,采用 400 µL 甲醇终止反应,加入 1 mL 正己烷涡旋震 荡 1 min 后,8 000 r/min 离心 10 min,吸取上清 200 µL 于玻璃管中,加闪烁液 1 mL,避光 4 h 后 测每分钟衰变(disintegration per minute, DPM)。 每个样品取 3 对 MO,进行 3 次生物学重复。

## 1.4 不同发育阶段左、右侧 MO 内的 FA-O-MeT 酶活

根据上述 7 个不同发育阶段 MO 的 FA-O-MeT 酶活力测定结果,选取具有代表性阶段的发 育早期、次级卵黄发生期和成熟期克氏原螯虾 MO 来研究左、右侧 MO 的 FA-O-MeT 酶活差异。 首先活体解剖获得左、右侧 MO,然后按上述放射 化学法来检测 FA-O-MeT 酶活。每个样品取3 对 MO,进行3 次生物学重复。

## 1.5 眼柄镊烫及窦腺提取液对 MO 内的 FA-O-MeT 酶活的影响

利用镊烫法破坏发育早期及成熟期的克氏原 螯虾眼柄(去除眼柄因子),并正常饲养,分别取 处理后不同日龄的克氏原螯虾解剖获得 MO,按 上述放射化学法测定眼柄镊烫后对 MO 内 FA-O-MeT 的影响。每个样品取 3 对 MO,进行 3 次生 物学重复。

冰上解剖发育早期和成熟期的 XO-SG,立即 放入液氮冻结,加 2 mol/L 乙酸匀浆,12 000 r/ min,4 ℃,离心 10 min,取上清,加 NaHCO<sub>3</sub>调节 pH 至 7.2,分装,置于 - 80 ℃存备用。使用时每 个当量为每对 MO 添加一个窦腺提取物。取 3 对 MO/样于添加了一定量窦腺提取物的无 Met 的 DMEM 培养基中,28 ℃避光培养 30 min。8 000 r/min,4 ℃,离心 5 min 去培养基,按上述放射化 学法测定 FA-O-MeT 酶活。每个样品取 3 对 MO,进行 3 次生物学重复。

#### 1.6 FA-O-MeT 酶活的计算

DPM 直接反映了生成 H<sup>3</sup>-MF 的多少(1.1 ×  $10^{6}$  DPM = 0.5  $\mu$ Ci = 0.5 ×  $10^{-4}$   $\mu$ mol),根据 H<sup>3</sup>-MF 所占 MF 的比例(0.5 ×  $10^{-4}$   $\mu$ mol/SAM 的总量),可计算出生成的 MF 量。MO 的 FA-O-MeT

5 期

酶活力用 pmol/( $p \cdot h$ )(p 为 pair 的缩写,表示每 对 MO)表示。酶活力值[pmol/( $p \cdot h$ )] = DPM/ ( $1.1 \times 10^6$ ) ×  $0.5 \times 10^{-4}$ /( $H^3$ -SAM 占总 SAM 的 比例) × 吸取相体积/溶解相体积/小时/MO 对数 × $10^6 \times 4$ (所吸取匀浆液的比例)。

#### 2 结果与分析

#### 2.1 不同发育阶段 MO 的 FA-O-MeT 酶活变化

分别检测克氏原螯虾7个不同卵巢发育阶段 (未发育期、发育早期、卵黄发生前期、初级卵黄 发生期、次级卵黄发生期、成熟期和产卵后期)的 酶活力状况,其变化趋势见图1。由图1可知,在 卵黄发生期之前,FA-O-MeT 酶活较低,但随着发 育时期的延续略有增长;在初级卵黄发生期,酶活 开始明显加强,直至次级卵黄发生期时达到最高 值,为61.75 pmol/(p・h);成熟期的酶活值较次 级发生期低,但略高于初级发生期;产卵后的酶活 明显下降,为11.45 pmol/(p・h)。由此可见,在 克氏原螯虾的整个生长发育过程中,FA-O-MeT 酶活呈现有规律的变化趋势,其原因可能与卵巢 发育周期有关,这也与我们早期对克氏原螯虾 MO 分泌和合成 MF 规律的研究结果一致。



图1 不同发育阶段 MO 的 FA-O-MeT 酶活变化

1. 未发育期; 2. 发育早期; 3. 卵黄发育前期; 4. 初级卵黄发 生期; 5. 次级卵黄发生期; 6. 成熟期; 7. 产卵后期;字母相同 表示差异不显著,字母不同表示差异显著; *T*-test,下同。

# Fig. 1 The change of MO FA-O-MeT activity at different developmental stages of *P. clarkii* ovary

1. the undeveloped stage; 2. the early developmental stage; 3. the pre-vitellogenesis stage; 4. the primary vitellogenesis stage; 5. the secondary vitellogenesis stage; 6. the maturity stage; 7. the post spawn stage. Same letters indicate no significant difference and different letters represent significant difference; T-test, the same below.

# 2.2 不同发育阶段左、右侧 MO 的 FA-O-MeT 酶活比较

按照头上尾下的位置区分克氏原螯虾左、右

侧 MO,解剖处于卵巢发育早期、次级卵黄发生 期、成熟期的左、右侧 MO,并分别检测其 FA-O-MeT 的酶活力,结果见图 2。处于卵巢发育早期 的克氏原螯虾左、右侧 MO 酶活分别为 10.37 pmol/(p・h)和 10.50 pmol/(p・h);处于次级卵 黄发生期的左、右侧 MO 酶活最高,分别为 56.41 pmol/(p・h)和 59.85 pmol/(p・h);而处于成熟 期的左、右侧 MO 酶活有所下降,分别为 33.05 pmol/(p・h)、35.64 pmol/(p・h)。由图 2 可 知,处于3 个不同发育阶段的 FA-O-MeT 酶活差 异较大(P<0.01),但每个发育阶段的 MO 左、右 侧酶活之间差异均不显著(P>0.05)。因此,克 氏原螯虾左、右侧 MO 的 FA-O-MeT 酶活接近 (或对称),且其酶活值的大小可能与卵巢发育密 切相关。



#### 图 2 不同发育阶段左、右侧 MO 的 FA-O-MeT 酶活比较

1. 发育早期; 2. 次级卵黄发生期; 3. 成熟期; L. 左侧; R. 右侧; T-test。

Fig. 2 Comparison of MO FA-O-MeT activity between the left and right MO at different developmental stages of *P. clarkii* ovary

1. the early developmental stage; 2. the secondary vitellogenesis stage; 3. the maturity stage; L. left MO; R. right MO; *T*-test.

#### 2.3 去除眼柄因子对 FA-O-MeT 酶活的影响

眼柄去除(eyestalk ablation,ESA)后,相当于 阻碍了 X 器官 - 窦腺复合体的调控作用。实验 选择了处于卵巢发育早期及成熟期的克氏原螯虾 进行 ESA 处理,以 ESA 处理当天为第 0 天,分别 检测了 ESA 第 0、1、3、5、7 天的 FA-O-MeT 酶活 变化(图3)。由图 3 可知,正常组螯虾的酶活最 低(第 0 天),自去眼柄后,酶活呈逐渐上升的趋 势;ESA 1 d 后,酶活增长速率加快,几乎呈直线 增长模式,至第 5 天达到最高峰,其中成熟期和早 期酶活分别为 201. 29 pmol/(p · h)和 105. 13 pmol/(p · h),均相对于第 0 天酶活力值高了 13 倍左右;ESA 5 d 后,可观察到酶活有缓慢恢复的 现象(逐渐趋于下降)。相比较而言,成熟期的克 氏原螯虾被 ESA 5 d 后,其酶活的恢复速度相对 较缓,这可能与克氏原螯虾自身的生理状况有关。 但总体来说,两个不同时期的克氏原螯虾 ESA 处 理后 MO 酶活的变化趋势十分相似。





## Fig. 3 The change of MO FA-O-MeT activity after ESA treatment of two different ovary developmental stages in *P. clarkii*

## 2.4 不同发育阶段 SG 提取液对 MO 的 FA-O-MeT 酶活影响

对处于卵巢发育早期及成熟期的克氏原螯虾 SG进行匀浆抽提,检测这两个时期的 SG 粗提取 液(0.5个当量/样)对次级卵黄发生期(略偏成熟 期)的克氏原螯虾 MO 酶活力影响(图4)。由图 4可知,正常 MO 在添加了抽提 SG 的溶液的培养 基培养 30 min 后,FA-O-MeT 酶活与正常情况下 差异不显著(P>0.05),表明添加了抽提 SG 的溶 液对培养基的影响不显著;而两组添加了 SG 提 取液的处理组与对照相比较均差异较大,酶活仅 为对照组的 1/4,差异极显著(P<0.01)。此外, 还发现早期 SG 提取液对 FA-O-MeT 酶活的抑制 作用较成熟期略强,但差异不显著(P>0.05)。

## 2.5 早期 SG 提取液对去眼柄 5 d 后 MO 的 FA-O-MeT 酶活影响

SG 提取液对 MO 中 FA-O-MeT 酶活起到了 明显的抑制作用。实验选取了抑制作用相对较好 的卵巢发育早期 SG 提取液,对 ESA 5 d 后的克 氏原螯虾进行处理(1个当量/样),同时检测了处 于同一时期的正常虾及 ESA 5 d 后 MO 酶活状 况,结果见图 5。由图 5 可知,ESA 后的结果与去 除眼柄因子对 FA-O-MeT 酶活的影响中的变化趋 势相似,5 d 后酶活显著上升;ESA 组与 ESA + 溶 液组之间的酶活差异不显著(*P* > 0.05);而经 SG 提取液处理 30 min 后,FA-O-MeT 酶活显著下降 (*P* < 0.5),与正常虾的酶活水平相近。



#### 图 4 不同发育时期 SG 提取液对 MO 的 FA-O-MeT 酶活影响

1. 正常组; 2. 正常+溶液; 3. 正常+成熟期 SG; 4. 正常+早期 SG; 7-test。

## Fig. 4 The change of MO FA-O-MeT activity after SG extracts treatment of two different

developmental stages in P. clarkii ovary

1. normal; 2. normal + solution; 3. normal + SG extractive in the maturity stage; 4. normal + SG extractive in the early stage; *T*-test.



### 图 5 早期 SG 提取液对 ESA 处理 5 d 后 MO 的 FA-O-MeT 酶活影响

1. 正常组; 2. ESA; 3. ESA + 溶液; 4. ESA + SG; T-test。

Fig. 5 The change of MO FA-O-MeT activity after ESA 5 days by SG extracts treatment of the early developmental ovary stage in *P. clarkii* 

1. normal; 2. ESA; 3. ESA + solution; 4. ESA + SG; T-test.

#### 3 讨论

#### 3.1 参与 MF 生物合成途径中的重要酶类

自甲壳动物体内 MF 被发现之后,其在生物 体内发挥的重要作用逐渐体现,其生物合成途径 也一直受到众多学者的关注,但至今未见有确定 的生物合成途径模式。2001 年 BORST 等<sup>[7]</sup>基于 GOLDSTEIN 和 BROWN 的无环异戊间二烯化合 物合成的甲羟戊酸途径,提出了 MF 可能的生物 合成途径。此生物合成途径中涉及到了众多酶 类,而关于羟甲基戊二酰辅酶 A (3-Hydroxy-3methylglutaryl-coenzyme A, HMG-CoA) 和 FA-O-MeT 的相关研究较多<sup>[17]</sup>。LI 等<sup>[13]</sup>在研究美洲

http://www.scxuebao.cn

螯龙虾(Homarus americanus) MO 时指出 ESA 处 理虾体后, HMG-CoA 酶活性、FA-O-MeT 酶活性 及 MF 合成水平分别上升了 3.1、5.7、10.7 倍, 而 注射 SG 提取液后三者水平又有着不同程度的下 降。由图 6 中可见, 以上三者分别处在该通路的 不同位置, 其中 FA-O-MeT 处在 HMG-CoA 下游, 而 FA-O-MeT 直接影响着 MF 的合成水平。在这 个合成途径中, 信号被逐渐放大这一说法可解释 三者在 ESA 处理后上升倍数的不同。在国内, 目 前尚无对甲壳动物 FA-O-MeT 酶的研究报道, 本 实验以克氏原螯虾为实验对象, 主要研究其 FA-O-MeT 酶活力在 MO 中的合成水平及受眼柄因 子调控的情况, 从而更加深入地了解其在 MF 合 成中的重要作用。

# **3.2** 卵巢不同发育时期 MO 内 FA-O-MeT 酶活 的变化

本实验检测了克氏原螯虾卵巢发育过程中, MO的FA-O-MeT酶活力的变化状况。证明了其 酶活力随着卵巢发育的变化呈现出周期性的变化 趋势。在卵黄发生期时,FA-O-MeT 酶活力值高, 而产卵后酶活力值急速降低。此现象可由 MO 在 卵巢发育周期中的组织结构变化来解释:在卵黄 发生期, MO 发育到达顶峰; 产卵后 MO 细胞开始 解体<sup>[18]</sup>。赵维信等<sup>[19]</sup>曾报道在克氏原鳌虾的卵 巢发育周期中,随着卵巢的发育,MF合成的速率 逐渐升高,在卵黄次级发生期时,MF达到最高 值,这与本实验检测到的 FA-O-MeT 酶活性的最 高值相对应。此外,克氏原螯虾卵黄发生期的 MO 提取物对卵巢发育的生物效应最强, MO 中 的功能性物质具有促进性腺细胞发育的作用,认 为大颚器是促性腺生长发育的腺体<sup>[20-21]</sup>。结合 卵巢不同发育时期 MO 中的 MF 水平和 FA-O-MeT 酶活性变化可以得出,在 MF 的合成上 FA-O-MeT 起到了重要的作用,同时也可以知道两者 与克氏原螯虾卵黄的发生也有着密不可分的 联系。

#### 3.3 左、右侧 MO 内 FA-O-MeT 酶活的比较

通过检测同一尾克氏原螯虾中的左、右侧 MO 中 FA-O-MeT 酶活性,发现两侧 MO 酶活性 差异不显著,说明其在合成 MF 最后一步时,左、 右侧 MO 所起到的作用无明显差异。这与赵维信 等<sup>[19]</sup>在研究克氏原螯虾 MF 合成时提出左、右侧 大颚器中甲基法尼酯的合成速率无明显差异的观 点相印证。

## **3.4** 眼柄神经肽对 MO 内 FA-O-MeT 酶活的 影响

作为甲壳动物神经内分泌的主要调控中心, 眼柄中的 X 器官窦腺(XO-SG)复合体可能参与 MO 的调控活动。在 XO-SG 复合体分泌的高血 糖家族中.目前报导的对 MO 起到直接调控作用 的是大颚器抑制激素(MOIH)<sup>[22]</sup>,其他几种激素 对 MO 活动能力也有一定的作用,但是其作用的 调控方式尚不明确。本实验利用眼柄镊烫法对克 氏原螯虾眼柄进行灼烧处理,阻碍了眼柄内的整 个 XO-SG 复合体对 MO 的调控作用。由实验结 果可知,ESA 处理后 FA-O-MeT 酶活力水平显著 上升,到第5天最高峰后开始缓慢下降。由此可 见,XO-SG 复合体存在着抑制 FA-O-MeT 酶活力 的物质,且其抑制作用较强,而 ESA 处理后 FA-O-MeT 酶活力会相应升高,从而促进 MF 的合 成,这与 ESA 处理后的 MF 合成速率水平显著上 升相吻合<sup>[23]</sup>。

## 3.5 SG 提取液对 ESA 处理后 MO 内 FA-O-MeT 酶活的影响

CHAVES<sup>[12]</sup>利用体内注射 SG 提取物,15 min 即能检测到甲基转移酶受到的抑制作用,并 指出窦腺提取物对 MO 的抑制作用是一个快速且 长期的过程。由于 XO-SG 复合体合成与分泌抑 制 MO 活动的神经肽激素,本实验利用 SG 提取 液体外处理克氏原螯虾正常 MO 及 ESA 处理后 的 MO,观察其 FA-O-MeT 酶活性的变化。实验 结果表明,0.5个当量的眼柄 SG 提取物处理 30 min 就对 MO FA-O-MeT 酶活力起到了显著的抑 制作用(抑制效果强烈);但早期和成熟期的眼柄 SG 提取物对酶活力的抑制作用差异不明显。在 ESA 处理后的实验中,1个当量的提取物处理 30 min 后能将 ESA 处理 5 d 后的 MO 酶活力抑制到 正常水平。

#### 参考文献:

- LE ROUX A. Description of organs mandibularies nouveaux chez les Crustaces Decapodes [J]. C R Acad Sci Paris, 1968, 266D:1414 - 1417.
- [2] LAUFER H, BORST D, BAKER F C, *et al.* Identification of a juvenile hormone-like compound in a crustacean[J]. Science, 1987, 235:202 - 205.
- [3] 李胜,赵维信.甲壳动物的大颚器和甲基法尼酯

http://www.scxuebao.cn

[J]. 上海水产大学学报,2000,9(3):240-246.

- [4] CHANG E S, CHANG S A, MULDER E P.
   Hormones in the lives of crustaceans: an overview
   [J]. Amer Zool,2001,41(5):1090 1097.
- [5] NAGARAJU G P C. Is methyl farnesoate a crustacean hormone [J]. Aquaculture, 2007, 272: 39-54.
- [6] 陆剑锋,常国亮,吴旭干,等.甲壳动物大颚器及其 合成甲基法尼酯的放射化学测定法[J].水产科 学,2009,28(2):113-116.
- [7] BORST D W, ORGAN J, TSUKIMURA B, *et al.* Regulation of the crustacean mandibular organ [J]. Amer Zool,2001,41(3):430 – 441.
- BURTENSHAWA S M, SU P P, ZHANG J R, et al.
  A putative farnesoic acid O-methyltransferase (FAMeT) orthologue in *Drosophila melanogaster* (CG10527): Relationship to juvenile hormone biosynthesis[J]. Peptides, 2008, 29(2):242 251.
- [9] GUNAWARDENE Y I N S, CHOW B K C, HE J G, et al. The shrimp FAMeT cDNA is encoded for a putative enzyme involved in the methylfarnesoate (MF) biosynthetic pathway and is temporally expressed in the eyestalk of different sexes[J]. Insect Biochem Mol Biol, 2001, 31(11):1115 1124.
- HOLFORD K C, EDWARDS K A, BENDENA W
   G, et al. Purification and characterization of a mandibular organ protein from the American lobster, *Homarus americanus*: a putative farnesoic acid Omethyltransferase [J]. Insect Biochem Mol Biol, 2004,34(8):785 798.
- [11] 杨济芬,朱冬发,沈建明,等.甲壳动物高血糖激素 家族生理功能研究进展[J].动物学杂志,2009,44
   (1):151-158.
- [12] CHAVES A R. Effects of sinus gland extract on mandibular organ size and methyl farnesoate synthesis in the crawfish [J]. Comp Biochem Physiol-Part A,2001,128(2):327-333.
- [13] LIS, WAGNER CA, FRIESEN JA, et al. 3-

Hydroxy-3-methylglutaryl-coenzyme A reductase in the lobster mandibular organ: regulation by the eyestalk [J]. Gen Comp Endocrinol, 2003, 134(2): 147–155.

- [14] 李胜,赵维信.克氏原鳌虾大颚器在卵巢发育周期中的组织结构变化[J].上海水产大学学报,1999, 8(1):12-18.
- [15] CLAERHOUT T, BENDENA W, TOBE S S, et al. Characterization of methyl transferase activity in the mandibular organ of the American lobster, *Homarus* americanus[J]. Bio Bull, 1996, 191;304 – 304.
- [16] 刘影. 黑腹果蝇幼虫 蛹变态过程中保幼激素的 生理功能和分子作用[D]. 上海:上海生命科学研 究院,2009.
- LI S, FRIESEN J A, HOLFORD K C, et al. Methyl farnesoate synthesis in the lobster mandibular organ: The roles of HMG-CoA reductase and farnesoic acid O-methyltransferase[J]. Comp Biochem Physiol-Part A,2010,155:49 – 55.
- [18] 李胜,赵维信.克氏原螯虾大颚器在卵巢发育周期 中的组织结构变化[J].上海水产大学学报,1999, 8(1):12-18.
- [19] 赵维信,白桦.克氏原鳌虾大颚器合成甲基法尼酯的研究[J].水产学报,2001,25(3):193-196.
- [20] 赵维信,李胜.克氏原螯虾大颚器对卵巢发育的影响[J].水产学报,1999,23(3):229-233.
- [21] 陆剑锋,万全,丁凤琴,等.克氏原螯虾大颚器促性 腺发育作用研究[J].安徽农业科学,2009,37(3): 1130-1133.
- [22] CHUNG J S, ZMORA N, KATAYAMA H, et al. Crustacean hyperglycemic hormone (CHH) neuropeptides family: Functions, titer, and binding to target tissues [J]. Gen Comp Endocrinol, 2010, 166: 447-454.
- [23] 赵维信,白桦,陆剑锋.克氏原螯虾大颚器生物合成甲基法尼酯的调控[J].水产学报,2002,26(增刊1):1-7.

## Analysis of farnesoic acid O-methyl transferase(FA-O-MeT) activity in mandibular organ (MO) of *Procambarus clarkii* at different developmental stages

XU Jin-jin<sup>1</sup>, WAN Quan<sup>1\*</sup>, TIAN Ling<sup>2</sup>, WU Xu-gan<sup>3</sup>,

CHENG Yong-xu<sup>3</sup>, DING Feng-qin<sup>4</sup>, LI Sheng<sup>2</sup>, LU Jian-feng<sup>5\*</sup>

(1. College of Animal Science and Technology, Anhui Agriculture University, Hefei 230036, China;

2. Institute of Plant Physiology and Ecology, Shanghai Institutes for Biological Sciences,

Chinese Academy of Sciences, Shanghai 200032, China;

 $3.\ Key\ Laboratory\ of\ Exploration\ and\ Utilization\ of\ Aquatic\ Genetic\ Resources\,,$ 

Ministry of Education, Shanghai Ocean University, Shanghai 201306, China;

4. Institute of Fishery, Anhui Academy of Agricultural Sciences, Hefei 230031, China;

5. College of Biotechnology and Food Engineering, Hefei University of Technology, Hefei 230009, China)

Abstract: Farnesoic acid O-methyl transferase(FA-O-MeT) catalyzes the methylation of farnesoic acid(FA) to methyl farnesoate (MF). Here we analyzed the activity of FA-O-MeT in mandibular organs (MOs) of *Procambarus clarkii* by the radiochemical assay, and also detected the regulation of eyestalk factor on the activity of FA-O-MeT. This work showed that there was no significant difference between the right and the left MO in the FA-O-MeT activity (P > 0.05); During the different ovary developmental stages, the enzyme activity was also at different levels, and there was a peak at the secondary vitellogenesis stage, to 61. 75 pmol/( $p \cdot h$ ); Eyestalk factor removal increased FA-O-MeT activity, and the peak appeared on the 5th day. Furthermore, incubation MOs in the DMEM with the SG extracts significantly decreased the FA-O-MeT activity(P < 0.01). These results indicated that the activity of FA-O-MeT is closely related to ovarian development and is negatively regulated by X-organ sinus gland complex in the eyestalk.

Key words: *Procambarus clarkii*; methyl farnesoate; farnesoic acid O-methyl transferase; SG extracts; developmental stages

Corresponding author: LU Jian-feng. E-mail:lujf@sibs.ac.cn;

WAN Quan. E-mail:ahwanquan@163.com